

#### **Translocations**

#### **Définition:**

passage d'un segment chromosomique sur un autre chromosome

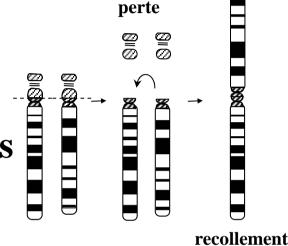
# remaniements portant sur 2 chromosomes

- 2 points de cassure :
  - proches du centromères sur acrocentriques:
     translocations robertsoniennes par fusion centrique
     translocations de bras entiers
  - ailleurs avec échange des segments distaux :
     translocations réciproques
- 3 points de cassure:
  - insertions interchromosomiques

### Translocations robertsoniennes

#### Translocations robertsoniennes

- chromosomes acrocentriques (13, 14, 15, 21 et 22)
- cassures dans la région
   péricentromérique et fusion des bras
   longs ⇒ dicentrique (95% des cas)



cassures au niveau du centromère

 $\Rightarrow$  monocentrique

rob(13;14)(q10;q10)

- perte des bras courts
- perte apparente d'un centromère
  - ⇒ <u>le caryotype équilibré est à 45 chromosomes</u>
- $\approx 1/1000$  nouveaux-nés (50% de novo)

#### Translocations robertsoniennes

- Le plus souvent entre acrocentriques non-homologues
- toutes les combinaisons peuvent se voir:

```
n(n-1) / 2 = 10 combinaisons + 5 entre homologues
```

• 85% des t. rob. :

```
-t(13;14)(q10;q10) \Rightarrow trisomie 13
```

$$-t(14;21)(q10;q10)$$
  $\Rightarrow$  formes familiales de trisomie 21

- points de cassure récurrents (ADN satellite III)
- se forment le plus souvent au cours de l'ovogenèse

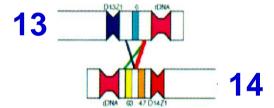
#### Mécanismes de formation

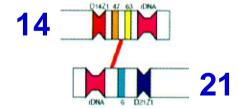
#### Page 1996 56 cas de t rob:

- points de cassure au niveau des bras courts
  - **⇒** dicentriques

23 rob (13;14)

8 rob (14;21)





#### mêmes points de cassure

• 25 autres rob moins fréquentes: points de cassure très variables surtout sur le 14

#### Mécanismes de formation

#### Hypothèse pour les rob les plus communes:

- recombinaison entre des séquences homologues sur le 13, le 14 et le 21
- séquences en orientation inverse sur le 14?
- le centromère du 14 serait le centromère actif (Sullivan 1994)

#### Mécanismes de formation

#### Hypothèse pour les autres rob :

- cassures double brin
- recombinaison illégitime favorisée par une étroite proximité (nucléole)

## rob *de novo* moment de survenue, origine parentale

	Nb de cas	mat/mat	pat/pat	mat/pat
rob(13;14)	23	19	2	2
rob(14;21)	31	31		
autres rob	10	7	2	1
total	64	57	4	3

 $\Longrightarrow$ 

Survenue pendant l'ovogénèse

# Translocations robertsoniennes entre homologues

- équilibrées : très rares
  - de novo
  - -1/2 rob
  - 1/2 isochromosomes : UPD mat le plus souvent
- non équilibrées :
  - isochromosomes de formation mitotique
    - ⇒ trisomies avec 46 chromosomes

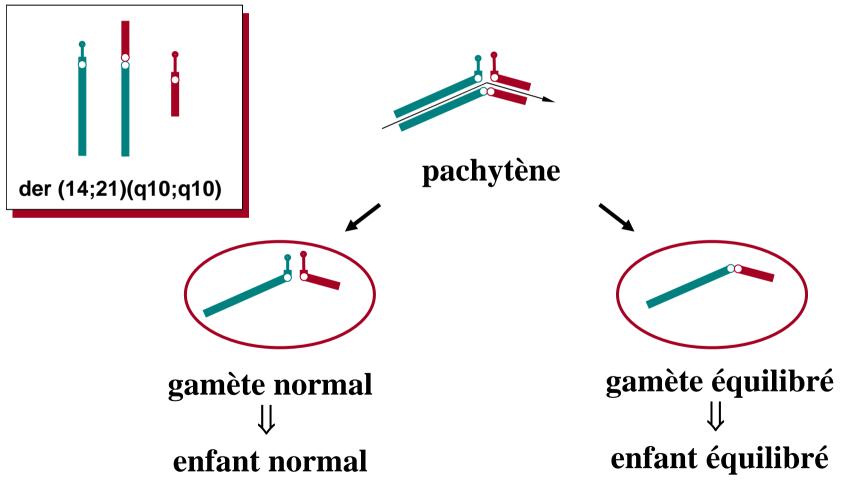
# Modes de ségrégation

### diagramme au pachytène

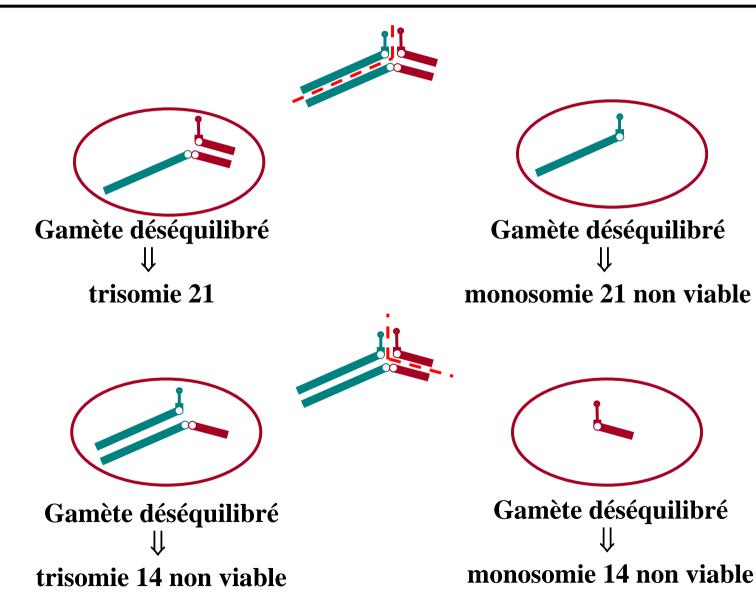
- pachytène (prophase de la méiose): appariement des chromosomes homologues ⇒ bivalents
- translocation robertsonienne ⇒ figure à trois rayons ou trivalent
- diagramme au pachytène : représentation schématique du trivalent tel qu'il peut être observé au cours d'une méiose mâle

## I- ségrégation alterne

La plus favorable : enfant de phénotype normal



## II- ségrégations adjacentes



### Risques de déséquilibre

• études de spermatozoïdes (Honda 2000) ségrégation alterne: 90% (74 à 96% ) ségrégations adjacentes: 10% (3 à 26%)

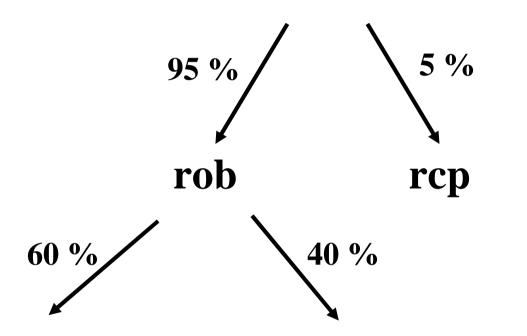
étude de la descendance des sujets porteurs

#### **⇒** différences selon le sexe

	Mère		Père	
	FCS	déséq	FCS	déséq
13;14	22%	1%	13%	1%
14;21	<b>24%</b>	10-14%	33%	2%
m prieur ATC 200	08			

#### Trisomie 21 par translocation

#### 5% de translocations



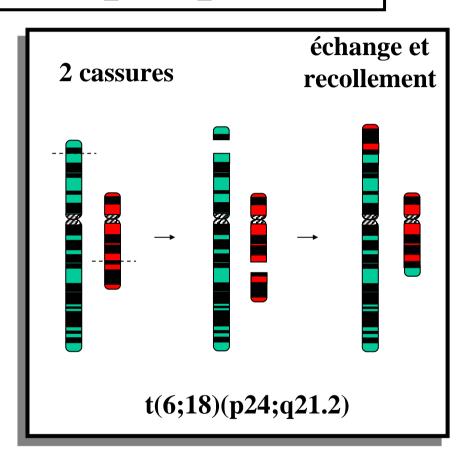
chr 14,13,15 et 22

50% héritée

chr 21 (isochromosome)

de novo +++

- 2 cassures + échange des fragments distaux
- les 2 chromosomes sont porteurs d'anomalies complémentaires
- caryotype équilibré à 46 chromosomes



- ≈ 1 p.1000 nouveaux-nés (sans bandes)
- $\approx$  1.4 p.1000 nouveaux-nés (avec 400 bandes)

- entre n'importe lesquels des 46 chromosomes
- points de cassure variables et aléatoires d'une translocation à l'autre
- Au moins 2 exceptions liées à des séquences particulières
  - -t(11;22)(q23;q12)
  - -t(4;8)(p16;p23)

- pas d'effet phénotypique
- risque de formation de gamètes déséquilibrés
- circonstances de découverte:
  - FCS
  - naissance(s) d 'enfant(s) polymalformé(s)
  - stérilité masculine ou hypofertilité
  - découverte fortuite (transmission sans manifestation sur plusieurs générations)

#### Plusieurs modes de ségrégation:

- 4 chromosomes
- p= prob. qu'un chromosome soit transmis
- q= prob. qu'un chromosome ne soit pas transmis

avec 
$$p+q=1$$

toutes les combinaisons possibles sont exprimées par:

$$(p+q)^4 = p^0q^4 + 4pq^3 + 6p^2q^2 + 4pq^3 + p^4q^0$$

⇒16 types de gamètes possibles mais pas équiprobables sans tenir compte des CO

}90% ⇒ enfants normaux ou

10% ⇒ enfants non équilibrés

équilibrés

•ségrégation 2:2

-alterne

```
-adjacent-1 ≈ 65%
```

**-adjacent-2 5-10%** 

•ségrégation 3:1 25-30%

-tertiaire ou avec échange

•ségrégation 4:0

% moyens

Variations +++ d 'une translocation à une autre

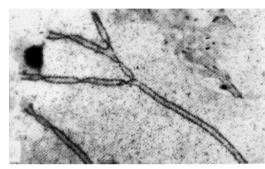
## Diagramme au pachytène

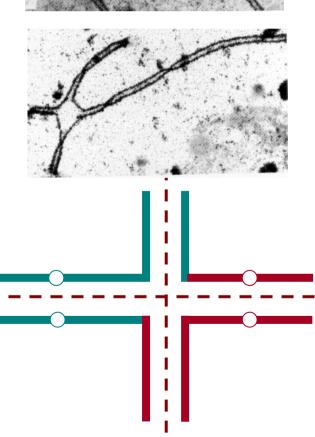
- méiose: appariement des régions homologues
  - ⇒ formation d'une figure en croix, ou tétravalent
- le diagramme au pachytène :
  - représentation schématique du tétravalent tel qu'il peut être observé au cours d'une méiose mâle
- permet d'envisager toutes les ségrégations possibles avec ou sans C.O.

## Diagramme au pachytène

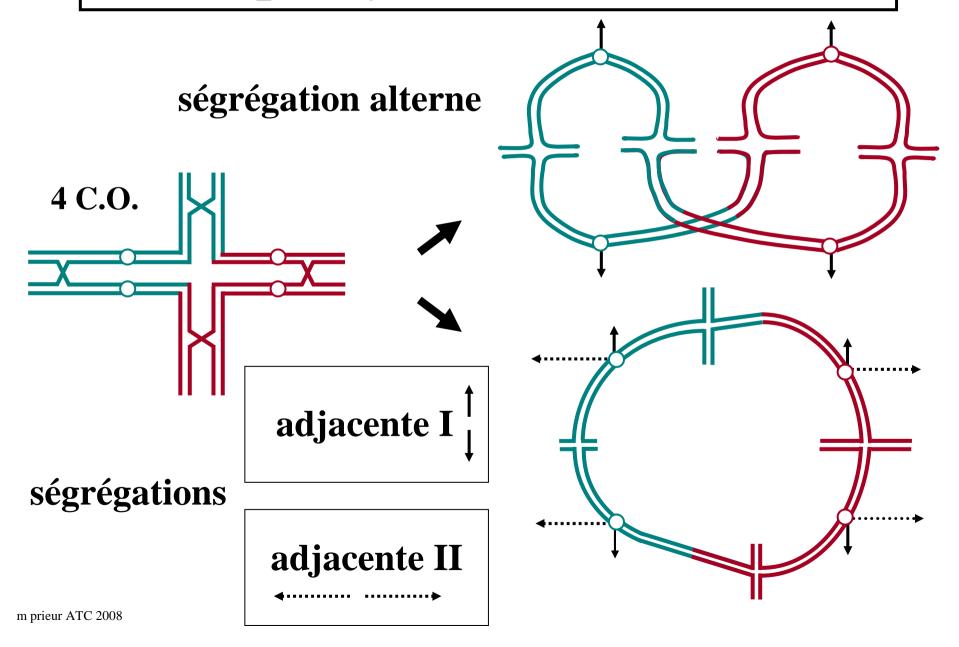
#### **Par convention:**

- segments centriques horizontaux
- segments transloqués verticaux
- en pointillés les lignes de ségrégation (séparation à l'anaphase)

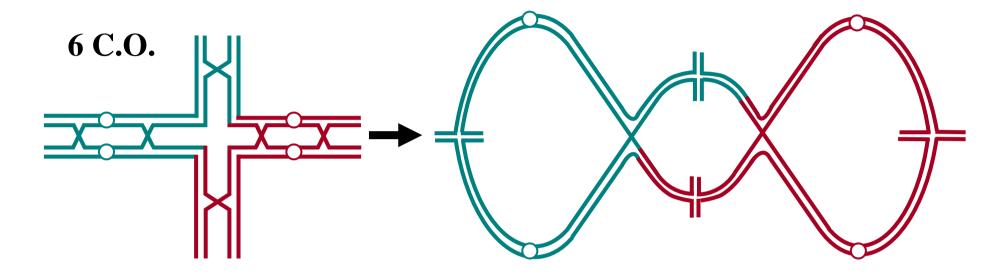




## Du pachytène à la diacinèse

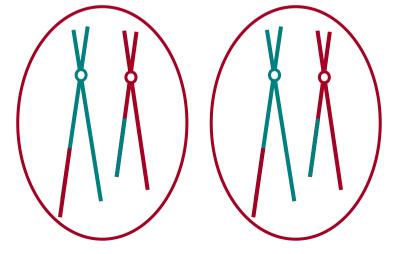


## Du pachytène à la diacinèse



C.O. dans les segments interstitiels = diades asymétriques en MII

ségrégation alterne ou adjacente 1



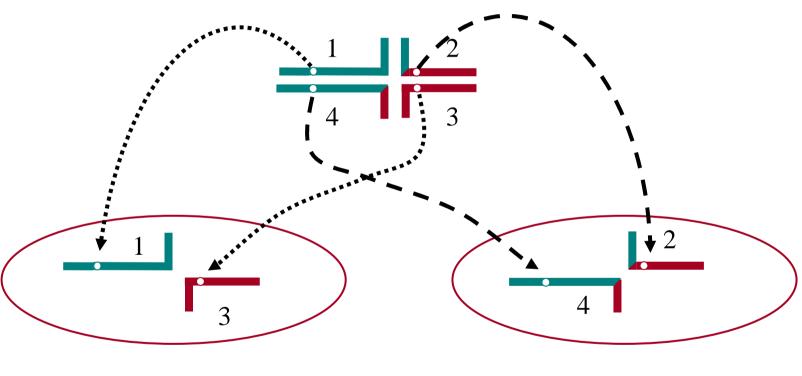
# RÉSULTATS DES DIFFÉRENTES SÉGRÉGATIONS

raisonnement simplifié:
1 chromatide par chromosome pas de C.O.

# **Disjonction 2:2**

## Ségrégation alterne

La plus favorable : enfant de phénotype normal



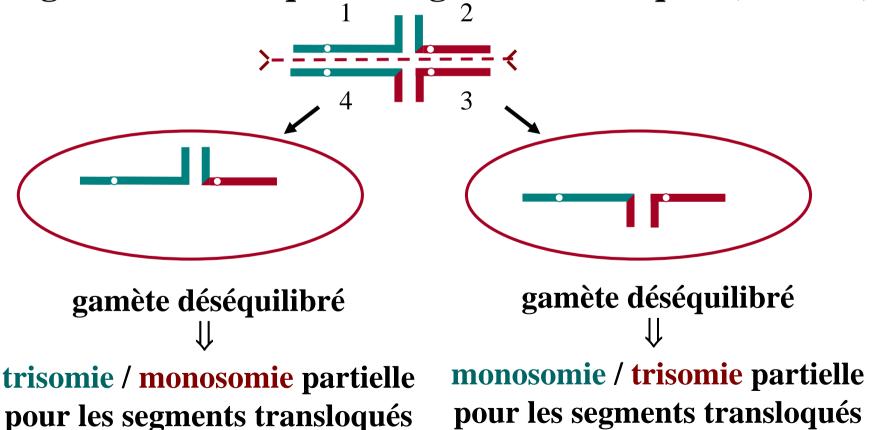
gamète normal ↓

enfant normal

gamète équilibré unique de la contraction del

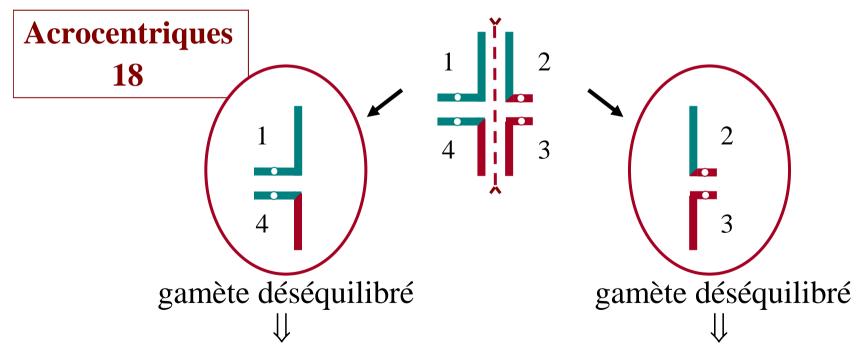
## Ségrégation adjacente-1

- la plus fréquente des malségrégations
- séparation des centromères homologues
- segments transloqués < segments centriques (souvent)</li>



## Ségrégation adjacente-2

- la plus rare des malségrégations
- pas de séparation des centromères homologues
- segments centriques < segments transloqués



trisomie / monosomie partielle monosomie / trisomie partielle pour les segments **centriques** 

pour les segments centriques

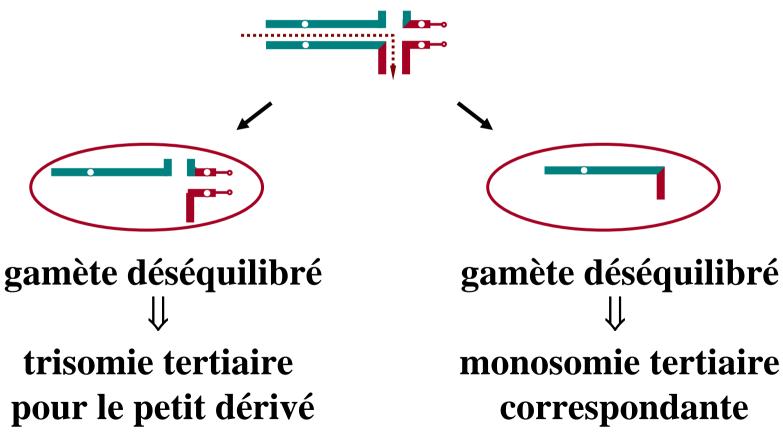
## Disjonction 3:1

1 der de petite taille : acrocentriques, bras court du 9

## Ségrégation 3:1

#### a- <u>déséquilibres tertiaires</u>:

les 2 chromosomes normaux vont dans le même gamète



## Ségrégation 3:1

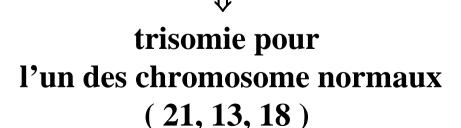
#### b - déséquilibres avec échange:

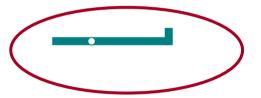
les 2 chromosomes transloqués vont dans le même gamète





gamète déséquilibré



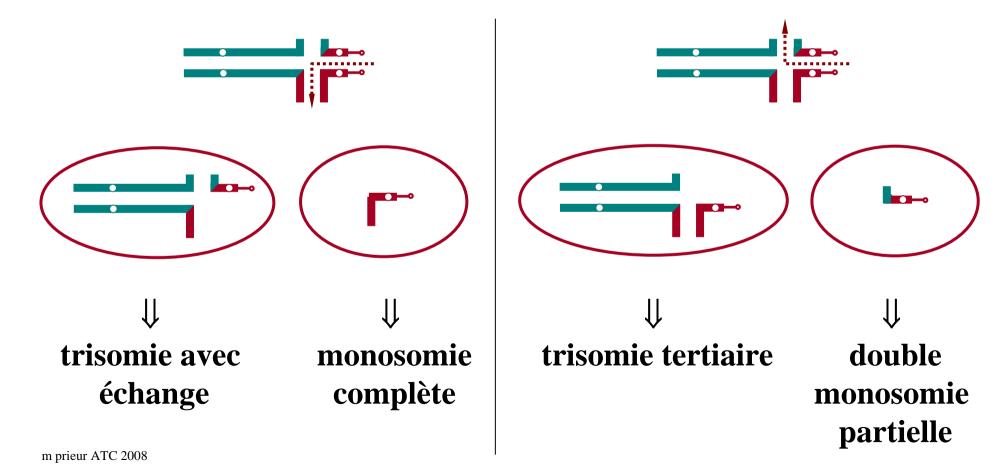


gamète déséquilibré



## Ségrégation 3:1

4 autres déséquilibres possibles en miroir des précédents ( non viables? )



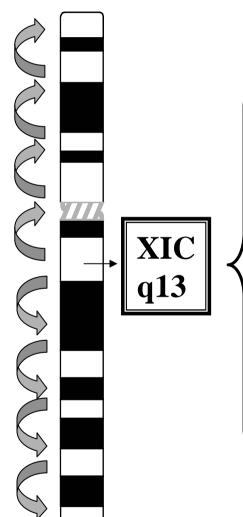
## Ségrégation 4:0

- observée au niveau des gamètes
- exceptionnellement compatible avec un développement embryonnaire

# Cas particuliers Les translocations X;autosomes

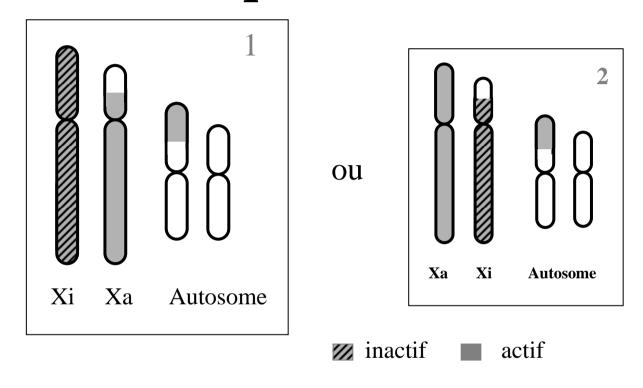
### translocations X; autosomes

Le centre d'inactivation



- contient les éléments essentiels à l'inactivation
- XIST X inactive specific transcript
  - ⇒ ARN de grande taille (17kb), pas de protéine
- propagation en cis
- éléments-relais (LINES)

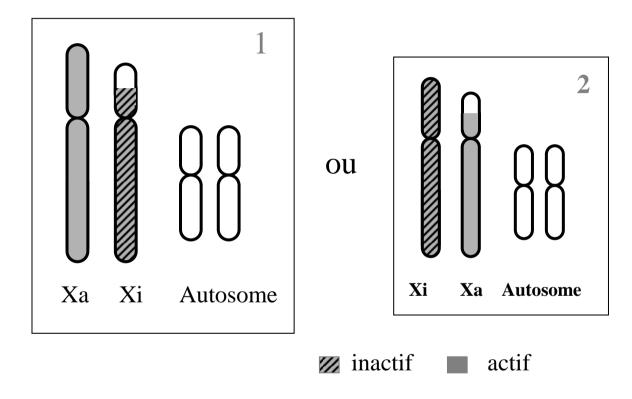
# translocations X-autosome équilibrées



l' X inactivé est presque toujours l' X normal (1).

phénotype normal, avec dysgénésie
gonadique dans certains cas

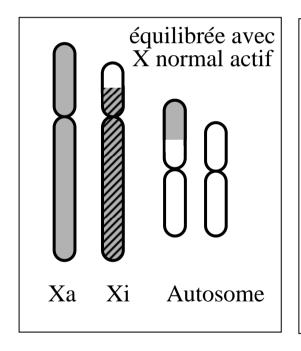
# translocations X-autosome non équilibrées

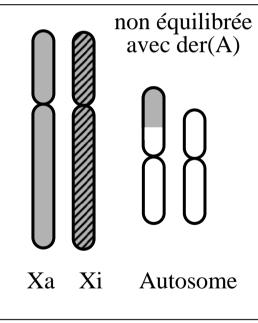


- l' X inactivé est presque toujours l'X transloqué (1).
- L'inactivation peut s'étendre au segment d'autosome transloqué

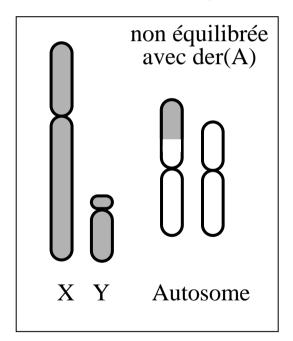
## translocations X-autosome et disomie fonctionnelle

Chez la fille





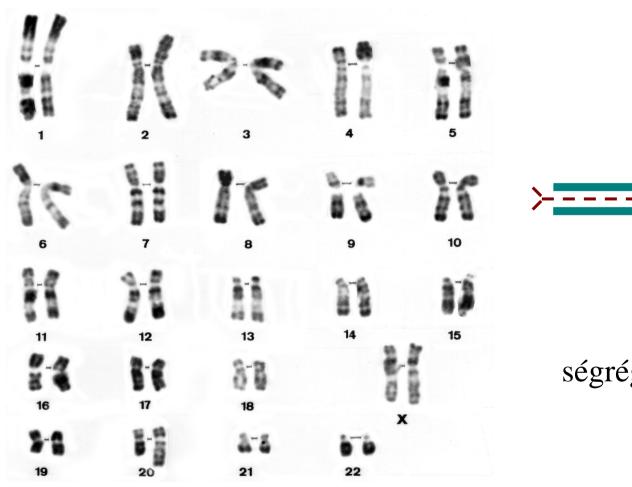
Chez le garçon

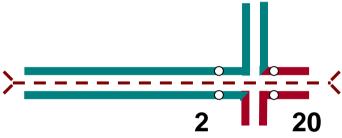


### **Exemples concrets**

# différents types de déséquilibre en relation avec le mode de recensement

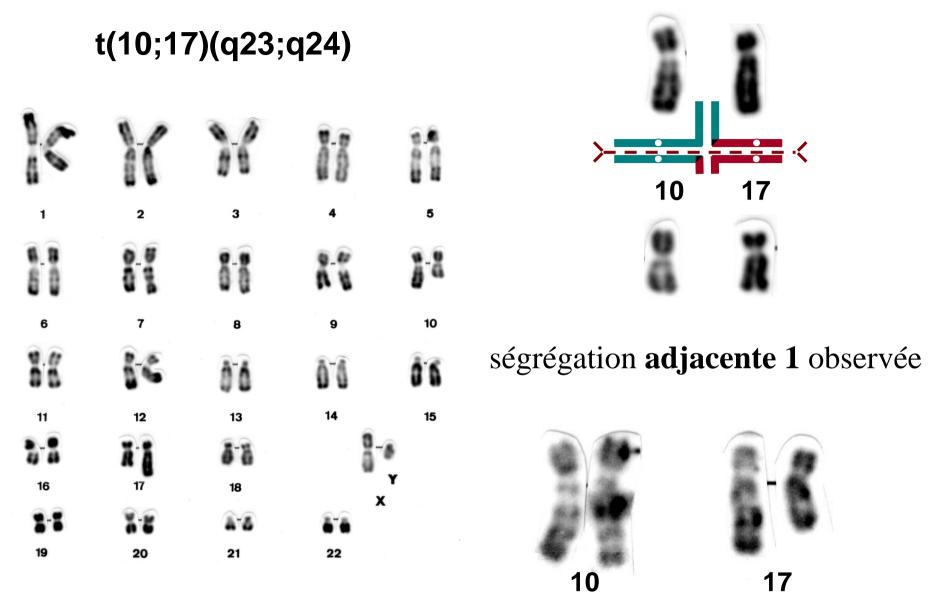
### t(2;20)(p13;q112)



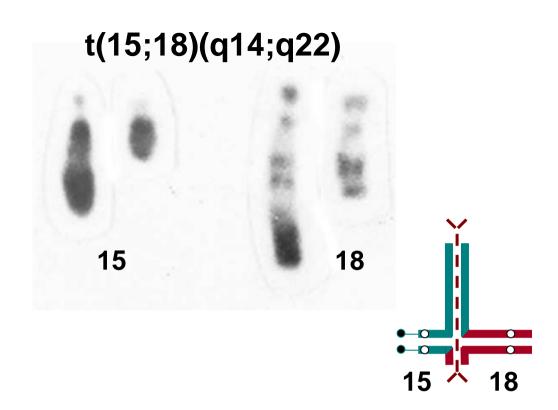


ségrégation adjacente 1:

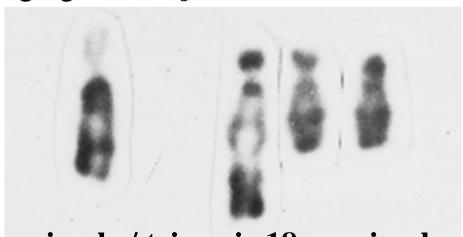
**FCS** 



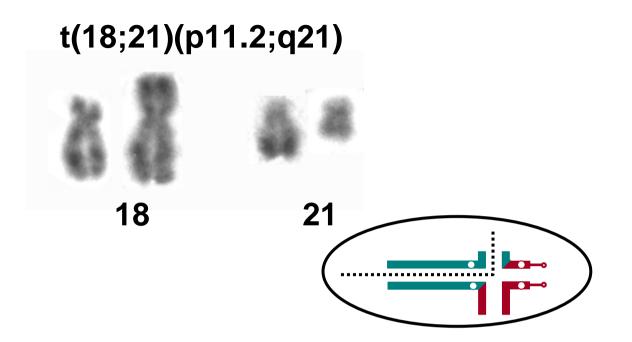
enfant malformé avec retard mental trisomie 10q / monosomie 17q



ségrégation adjacente 2 observée



monosomie 15 proximale / trisomie 18 proximale



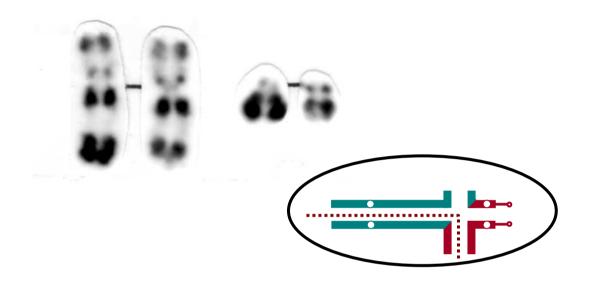


ségrégation 3:1 observée



18 21trisomie avec échange

### t(11;22)(q23.3;q11.2)

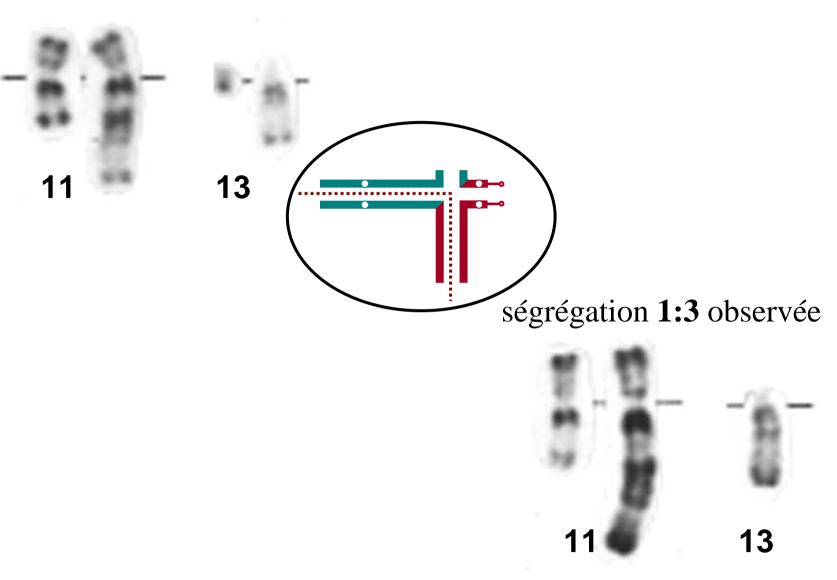


ségrégation 3:1 observée



trisomie **tertiaire** 

#### t(11;13)(q25;q12)

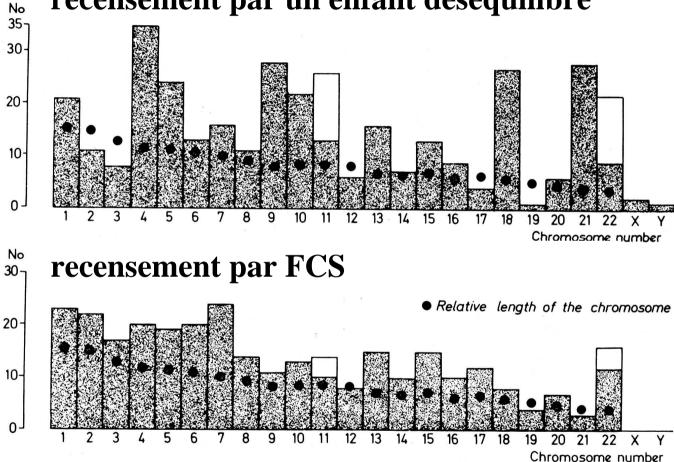


monosomie 11 distale monosomie 13 proximale

# Étude des ségrégations des t rcp dans les spermatozoïdes

- grande variabilité selon le type
- fonction du sujet étudié

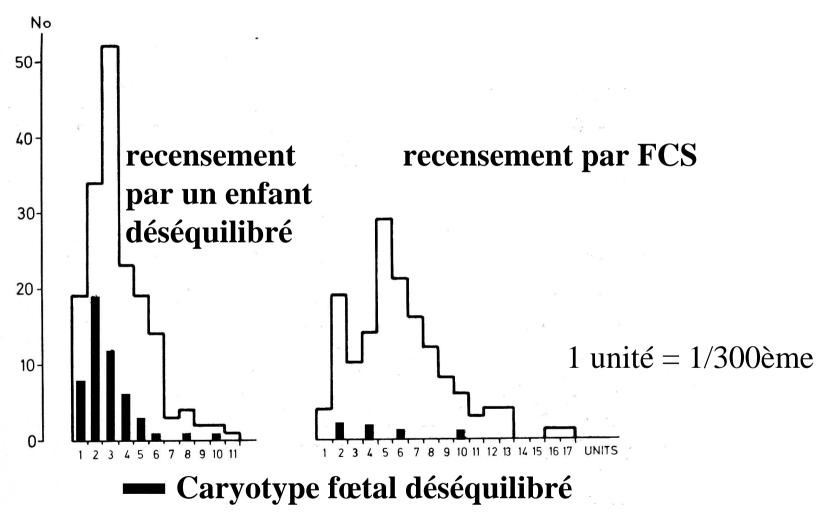
# Diagnostic prénatal: comparaison des chromosomes impliqués recensement par un enfant déséquilibré



certains chromosomes (4, 5, 9,10, 18 et 21) sont plus souvent intéressés par les t recensées à partir d'un enfant déséquilibré

\*\*Boué and Gallano 1984\*\*

### Diagnostic prénatal: taille du déséquilibre



# Comparaison des déséquilibres pour chaque chromosome et selon le recensement FCS/ enfant déséquilibré

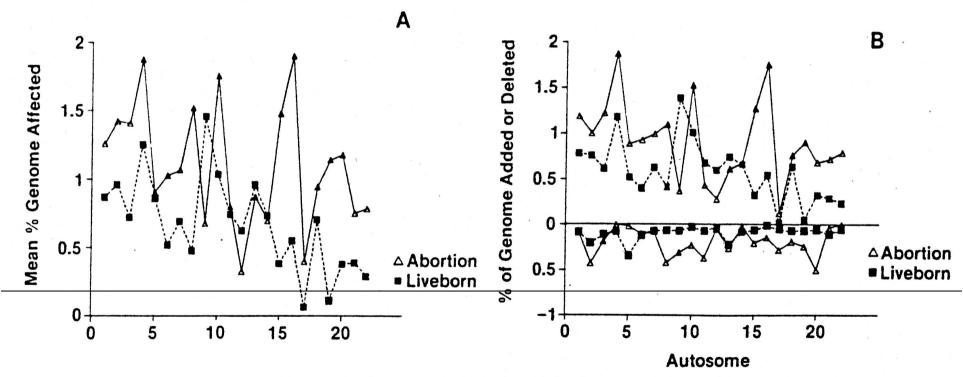
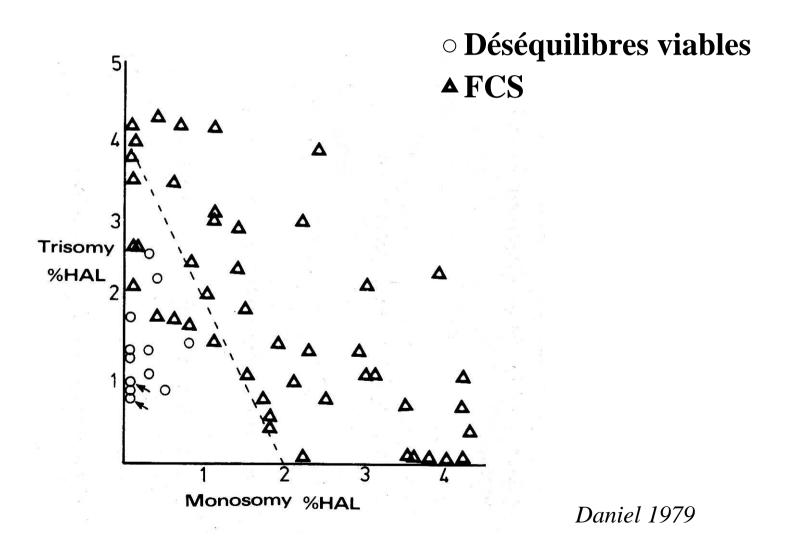
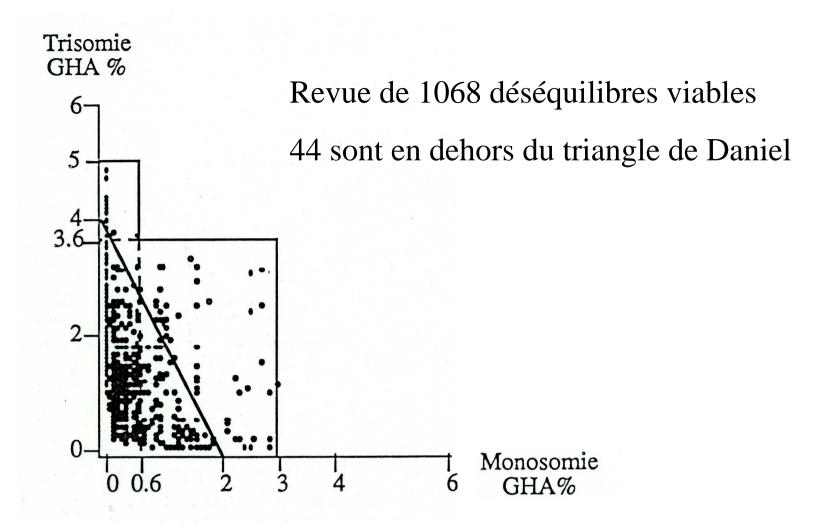


Fig. 4. Mean genomic imbalance in the two groups. A: Absolute imbalance of trisomy and monosomy. B: Mean trisomic imbalance above line zero, mean monosomic below.

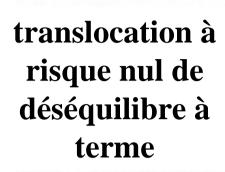
## Taille du déséquilibre trisomie / monosomie

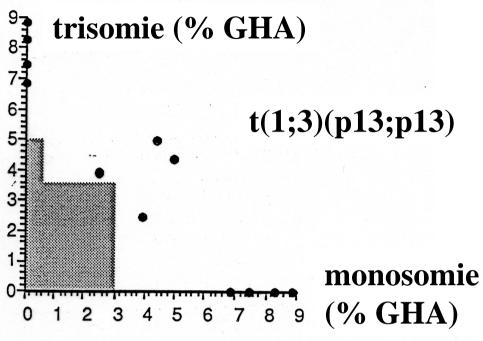




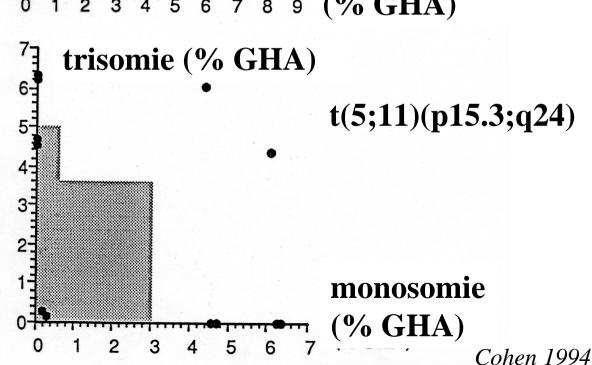
Les déséquilibres sont potentiellement viables si l'une de 2 conditions suivantes est respectée:

- monosomie <3% et trisomie <3,6%
  - monosomie <0,6% et trisomie < 5%



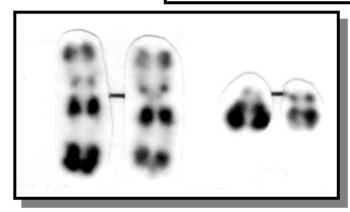


Translocation à risque élévé de déséquilibre à terme



Ségrégation préférentielle?

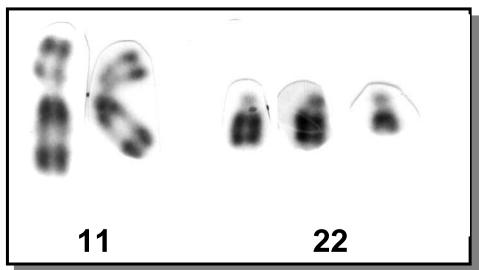
## t(11;22)(q23.3;q11.2)



ségrégation 3:1

observée

#### trisomie tertiaire

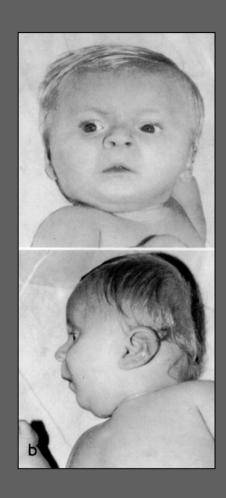


## t(11;22)(q23.3;q11.2)

- recensement
  - enfant malformé avec retard mental
    32 proposants: 31 d'origine maternelle
    1 d'origine paternelle
  - porteur équilibré : infertilité ou FCS à répétition
- évaluation du risque
  - − 5,6% si mère porteuse
  - -4,3% si père porteur

## Phénotype + der(22)













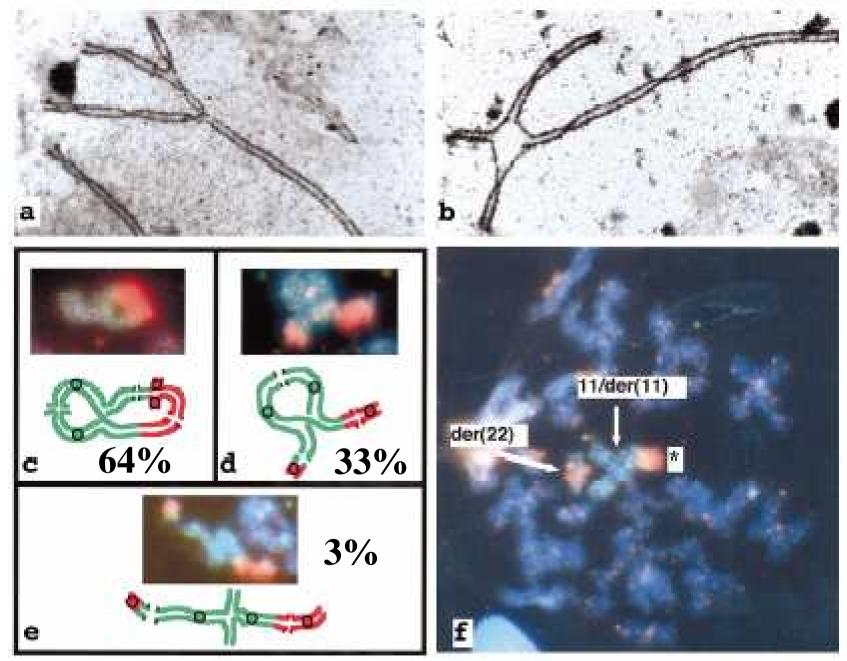
t(11;22)(q23.3;q11.2)

## 45 diagnostics prénatals

- 73.3% équilibrés
- 20% normaux
- 6,6% déséquilibrés avec +der(22)

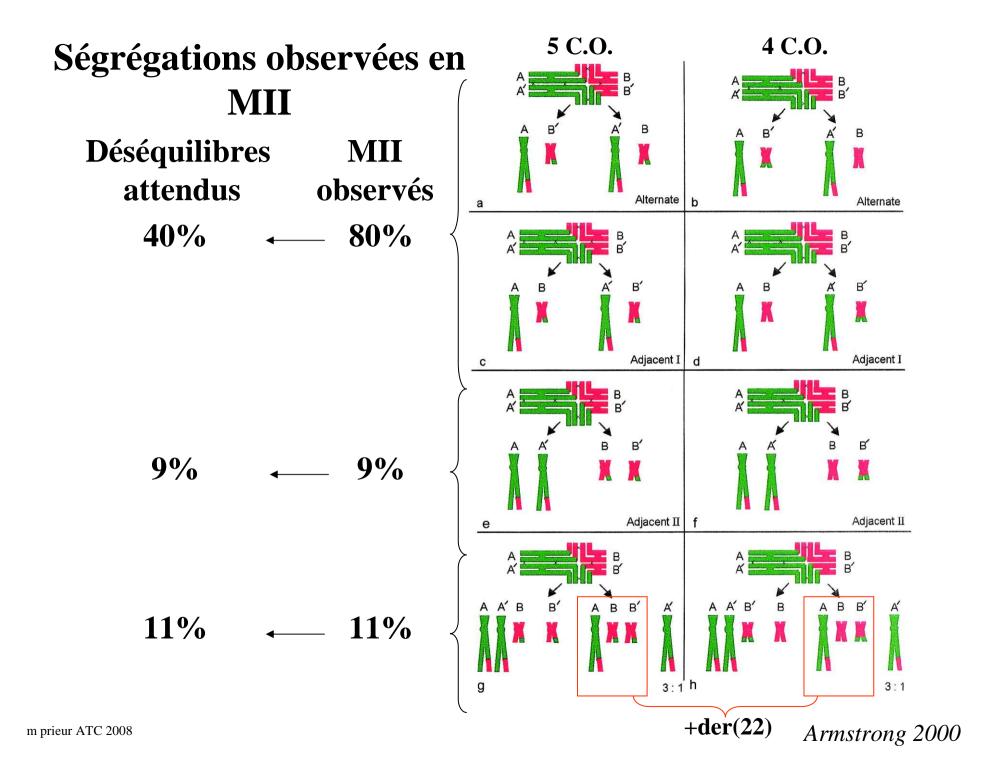
## Le seul déséquilibre observé est 47,+ der (22)

- malségrégation 3:1 préférentielle du fait de l'asymétrie de la configuration du pachytène ?
- absence de CO sur le petit segment intercalaire du bras long du chromosome 22 produisant un der(22) univalent ségrégeant au hasard en MI?



m prieur ATC 2008

Armstrong 2000



- pas de ségrégation préférentielle
- sélection postzygotique

## Conseil génétique

Principe : évaluer la viabilité des déséquilibres

- Prédiction du déséquilibre
  - chromosomes en cause et points de cassure
  - taille des segments transloqués
  - segments centriques vs segments transloqués
  - monosomie vs trisomie
  - diagramme au pachytène
- Arbre généalogique et indication
- Données de la littérature